遺伝的アルゴリズムを用いた微小部品の3次元形状測定

原 靖彦*, 池田 博充*, 小林 義和*, 白井 健二*

Reconstruction of Image of 3-Dimensional Shape of Minute Parts Based on Genetic Algorithm

Yasuhiko HARA*, Hiromitsu IKEDA*, Yoshikazu KOBAYASHI* and Kenji SHIRAI*

概要 本研究は、種々の角度から検出した微小な形状を合成することにより、3次元部品形状を再構成しようとするものである。形状の検出装置としては、微小物体の検出が行える共焦点顕微鏡を用いて大きさ、約 $400\,\mu\mathrm{m}$ の物体を検出した。形状を合成するためには、検出した複数の形状の位置を互いに合わせなければならない。このための手法として遺伝的アルゴリズムを適用した。遺伝的アルゴリズムで必要とされる環境に対する適応度としては、形状の法線方向での2つの形状間の距離を用いた。この距離を最小にするように位置合わせすることにより、x,y,z方向に対して0画素、回転方向に対しては、2/100画素以下の精度で位置合わせを実現した。

Abstract

The purpose of this study is to reconstruct the shape of minute 3-dimensional objects in a computer. The reconstruction is performed by aligning the shapes of a minute object detected from various angles. In this study, an object of under $400\,\mu\mathrm{m}$ was detected with a confocal microscope. A genetic algorithm was applied in order to align the shapes detected from different angles and reconstruct the complete 3-dimensional object. The use of a genetic algorithm makes it necessary to define "fitness for the environment." In this case, distance between a pair of shapes was defined as fitness; alignment was performed so as to minimize the distance. Experiments have shown that with our methodology alignment precision is equal to or less than 2/100 pixels for rotation, and zero pixels for the x,y and z directions.

Key Words: Reconstruction of 3-Dimensional Shape, Confocal Microscope, 3-Dimensional Alignment, Detection of Minute Shape, Genetic Algorithm

^{*}日本大学工学部情報工学科(〒963-8642 福島県郡山市田村町徳定中河原1)

^{*}Department of Computer Science, College of Engineering, Nihon University (1 Nakagawara Tokusada, Tamura-machi, Koriyama-shi, Fukushima 963-8642)